چکیده فارسی

مقدمه و هدف :ویروس هپاتیت C یکی از ویروس های منتقل شونده از طریق خون می باشد. این ویروس ٦ ژنوتیپ اصلی و زیر گروههای متعدد دارد. هر چند جزوء خانواده فلاوی ویریده (flavivirus)طبقه بندی می شود ولی با تمامی فلاوی ویروس های شناخته شده و هپاسی ویروس‌ها(Hepacivirus) تفاوت دارد و لذا به عنوان تنها عضو جنس هپاسی ویروس(Hepacivirus) از خانواده فلاوی ویریده ، طبقه بندی می شود. این ویروس یکی از ٦ ویروس شایع هپاتوتروپ می باشد که تا سالهای اخیر nonA-nonB خوانده می شد. واگیری بیماری از راه خون آلوده انجام می گیرد و در بیمارانی که پیشینه به کارگیری مواد مخدر تزریقی ، انتقال خون آلوده ، خالکوبی و سوزن آلوده را دارند بیشتر دیده می شود. از دیگر راههای انتقال، ارتباط جنسی است که درصد کمتری را به خود اختصاص می دهد. اغلب کارسینوم در یاخته های کبدی، پیامد این هپاتیت است. در این مطالعه فراوانی ژنوتایپ های HCVدر بیماران مراجعه کننده به آزمایشگاههای تشخیص طبی در سطح رشت مورد بررسی قرار گرفته است.

مواد و روش کار:از پلاسمای خون بیمارانآنتیHCV مثبت مراجعه کننده RNA ژنومی ویروس استخراج گردید و به روش RT-PCR منطقه ای به طول ٢٣٤ جفت باز از ناحیه ژنی 5 'UTR تکثیر و جهت ژنوتایپینگ تعیین توالی گردید و با آنالیز توالی با استفاده از نرم افزار Blast ژنوتیپ ویروس تعیین گردید.

نتایج: از ٢٢٥ نمونه پلاسمای مورد مطالعه، ١٤٢ نمونه در بررسی مولکولی ویروس هپاتیت C منفی (٦٣/٢٪) و ٨٣ نمونه (٣٦/٨٪) مثبت بودند. از ٨٣ نمونه مثبت به ترتیب ٢٩ نمونه ژنوتیپ a١(٣٤/٩٤٪)،٥نمونه ژنوتیپb١ (٦/٠٣٪)، ٣ نمونه ژنوتیپc١ (٣/٦٢٪)، ٤٤ نمونه ژنوتیپ a3 (٥٣/٠١٪)،٢ نمونه ژنوتیپ a3 و a1 را با هم داشتند(٢/٤٪).

نتایج این تحقیق نشان می دهد ژنوتیپ a3 در بین ژنوتیپ های مورد بررسی شایع ترین ژنوتیپ ویروس هپاتیت C در استان گیلان می باشد.

کلمات کلیدی :ویروس هپاتیت C ، شناسایی مولکولی ، ژنوتیپینگ